**Il puzzle evolutivo di diversità delle residue popolazioni italiane di Trota**

Gandolfi A.1\*

1 *Biodiversity and Molecular Ecology Department, Research and Innovation Centre - Fondazione Edmund Mach, via E. Mach 1, 38010 San Michele a/Adige (TN) - Italy*

*\* andrea.gandolfi@fmach.it*

ABSTRACT (presentazione Tavola Rotonda)

Le popolazioni di trota del Mediterraneo, e dell’Italia, mostrano una varietà di fenotipi che costituiscono per tassonomi, biogeografi e ittiologi in generale un vero dilemma, ulteriormente complicato dalla diffusa introgressione di geni alloctoni.

In questa presentazione sono riassunti i principali risultati ottenuti dall’analisi genetica multilocus di campioni rappresentativi della diversità tassonomica autoctona descritta nelle popolazioni italiane di Trota (*Salmo marmoratus*, *S. carpio*, *S. cenerinus/ghigii/farioides*, *S. cettii* e *S. fibreni*) e di campioni provenienti da ceppi di allevamento di *S. trutta* Atlantica. Alla luce dei risultati sono quindi descritti (i) la struttura filogeografica delle popolazioni italiane autoctone di *Salmo*; (ii) la valutazione di una serie di modelli biogeografici sulla storia evolutiva di tali popolazioni, tenendo conto dei processi di introgressione alloctona mediata dall’uomo.