

Acta Italus Hortus

Riassunti dei lavori presentati al

7° Convegno Nazionale di Viticoltura
Piacenza, 9-11 luglio 2018

A cura di
Irene Diti e Stefano Poni



Publicata dalla Società di Ortoflorofruitticoltura Italiana (SOI)

**ore, alla cantina, alla viticoltura
na viticoltura “Universalmente
o MetaEtica 4.1”: il caso studio
l “Prosecco”**

letto L.¹, Scaggiante S.^{1*}, Bolzanella C.¹,
asco R.³, Bosso A.³, Barisan L.^{4,5}, Teo
G.⁷
nte@unipd.it
adova
dine

ole
mpus 5.1C

oro vengono espone le attività e le ricerche
e, non per opinione ma scientificamente, la
ale della viticoltura del Veneto e in partico-
Prosecco” DOCG e DOC relativamente alla
ata dai midia, dal consumatore sul market-
a sul vino e sul vigneto al fine di ottenere
viticoltura in sintonia con l’enologia e ques-
ing e questo con il consumatore e questa
o e questa con una “Universalmente o
4.1” corretta concorrenza .

ddisfare ed indirizzare sempre meglio la
nsumatore non solo a livello tipologico e
rodotto ma anche, in filiera armonica, rela-
aspetti tecnici, economici, ambientali,
onali, esistenziali, etici, “MetaEtici ” secon-
nde Filiera MetaEtica 4.1C” algoritmo del
mpus 5.1C.

esti fondamentali per una viticoltura,
a comunicazione, marketing e un territorio
iversalmente 4.1c o MetaEticamente 4.1C”
mente sostenibile.

ità e queste ricerche hanno evidenziato i
di debolezza del settore vitivinicolo del
ticolare del Prosecco.

i forza e di debolezza verranno esposti in
on per opinione ma scientificamente, anche
“Carta della Viticoltura Sostenibile: Bio-
” del GiESCO.

consumatore, marketing, vino, viticoltura,
, Metaetica 4.1C

**Dissecting quality related traits in local
grapevine varieties Corvina and Garganega**

Morelli L.¹, Delfino P.¹, Tosoni M.¹, Imanifard Z.¹, Liu
R.¹, Amato A.¹, Digby A.M.¹, Grando M.S.², Tornielli
G.B.^{1*}, Bellin D.¹

* giovannibattista.tornielli@univr.it

¹ Dipartimento di Biotecnologie, Università di Verona

² Centro Agricoltura, Alimenti e Ambiente, Università di
Trento

The local grapevine varieties Corvina and Garganega are important cultivars for the production of DOC wines in the north-east Veneto region. Extensive transcriptomics and metabolomics were previously conducted to widely characterize their berry transcriptome along development and relate it to their berry metabolites content at harvest time, in comparison to other widely cultivated varieties. Breeding to adapt these varieties to climate changes, or to introgress pathogen resistance for a more sustainable viticulture, would require to preserve their distinctive performance and retain wine quality. Therefore a deep understanding of the genetic control of quality related traits in these varieties would be convenient. To this aim these varieties have been crossed to previously identified divergent varieties for quality related traits (Cabernet Sauvignon x Corvina and Garganega x Pinot Bianco) over two following years. Segregating populations including high number of seedlings were developed for mapping of genetic traits related to quality. Furthermore cross populations aiming to dissect new genetic sources controlling plant phenology, or to the introgression of resistance sources, were also produced. By applying the Illumina 18K SNPs Chip array, a preliminary genetic characterization of the Cabernet Sauvignon x Corvina cross population was performed and is here presented. Transcriptomic analysis along development and evaluation of metabolites content at harvest time in seedlings, beside further standard phenotypic characterizations of these populations, will finally allow to improve our current understanding of the genetic control of quality in these important local varieties, thus helping and assisting breeding.

Parole chiave: Grape breeding, cross populagtion, SNPs, berry quality.